

Vrijeme izvoza: 24.04.2024. 19:10:27

Repozitorij: dr.nsk.hr

Ukupan broj zapisa na URL-u: 15

Broj izvezenih zapisa: 15

Naslov	URL	Autori	Naslov izvornika
Vežanje iona prijelaznih metala u ljudskoj dipeptidil-peptidazi III		Matić, Antonia	
Bakterijske i virusne makrodomene – struktura, funkcija i terapijski potencijal		Hloušek-Kasun, Andrea	
Uloga dipeptidil-peptidaze III u oksidacijskom stresu		Matić, Sara	
Biokemijska karakterizacija adenilosukcinat-sintetaze bakterije <i>Helicobacter pylori</i> eksperimentalnim i računalnim metodama		Bubić, Ante	
Eksperimentalno i računalno istraživanje novih konjugata gvanidina s različitim fluoroforima kao liganada humane dipeptidil-peptidaze III		Čehić, Mirsada	
On the nature of structural fluctuations in complex liquids		Požar, Martina	
Molekulsko modeliranje bakterijskih dipeptidil-peptidaza III		Tomin, Marko	
Izbor reprezentativnog skupa membranskih proteina poznate strukture: razvoj poboljšanih algoritama uporabom koncepta nasumičnog modela		Batista, Jadranko	
Kvantno-kemijsko istraživanje reakcija pregrađivanja odabranih psihofarmaka		Šakić, Davor	
Primjena računalnih pristupa različitih stupnjeva složenosti u svrhu razumijevanja strukture, dinamike i aktivnosti ljudske dipeptidil-peptidaze III		Tomić, Antonija	
Redukcija ribonukleotida u prebiotičkim uvjetima		Dragičević, Ivan	
Eksperimentalno utemeljeno modeliranje interakcija nukleinskih kiselina i malih molekula		Grabar Branilović, Marina	
Proučavanje dioksigenaza ovisnih o željezu računalnim metodama		Brkić, Hrvoje	
Poboljšani algoritam za izbor i provjeru kvalitete najboljih multivarijacijskih modela odnosa strukture i svojstava molekula		Papeš Šokčević, Lidija	
Algoritmi za utvrđivanje fleksibilnosti proteina na temelju konformacije i fizikalnih svojstava proteina		Šikić, Krešimir	